
Μικροβιακή χλωρίδα εντέρου & AS



Συγκρίθηκε το προφίλ των μικροβίων σε βιοψίες από τον τελικό ειλεό ασθενών με AS πρόσφατης έναρξης, με αυτές υγιών ατόμων, με τη μέθοδο culture-independent 16S rRNA gene sequencing

- Διαπιστώθηκαν **σημαντικές διαφορές** ($P < 0,001$) κυρίως λόγω της αφθονίας 5 οικογενειών των βακτηριδίων Lachnospiraceae ($P=0.001$), Veillonellaceae ($P=0.01$), Prevotellaceae ($P=0.004$), Porphyromonadaceae ($P=0.001$) και Bacteroidaceae ($P=0.001$), εκ των οποίων το 1ο και το 4ο σχετίζονται έντονα με κολίτιδα και νόσο Crohn
- Η μικροβιακή αυτή σύσταση φάνηκε να σχετίζεται με το στάδιο της νόσου
- Τα ευρήματα επιβεβαιώνουν την υπόθεση ότι γονίδια που σχετίζονται με την AS ενεργούν, τουλάχιστον εν μέρει, μέσω δράσεων στην εντερική μικροβιακή χλωρίδα

Intestinal dysbiosis in ankylosing spondylitis. Costello ME, Ciccia F, Willner D, Warrington N, Robinson PC, Gardiner B, Marshall M, Kenna TJ, Triolo G, Brown MA. Arthritis Rheumatol. 2014 Nov 21. doi: 10.1002/art.38967. [Epub ahead of print]

Το κείμενο αποτελεί ελεύθερη μετάφραση της περίληψης της δημοσιευμένης μελέτης και δεν περιέχει στοιχεία από το πλήρες άρθρο
Αποτελεί επίσης εύρημα μιας μόνο εργασίας και όχι υποχρεωτικά θέμα κατασταλαγμένης γνώσης
Αποτελεί τέλος βιβλιογραφική ενημέρωση και όχι απαραίτητα σύσταση για την καθημέρα κλινική πράξη